

Ievads bioinformātikā

2011. gada rudens semestris

2. uzdevums

1. Atrast NCBI OMIM datu bāzē informāciju par cilvēka audzēju proteīnu p53.
2. Atrast publikācijas, kurās analizēta p53 gēna struktūra un tā mRNS alternatīvās splaisinga formas.
3. Identificēt ar publikācijām saistītās alternatīvās mRNS formas. Iegūt mRNS un to kodēto proteīnu aminoskābju sekvenču FASTA formātā.
4. Salīdzināt 10 dažādas mRNS formas izmantojot CLUSTAL W.
5. Salīdzināt iegūto sekvenču salīdzinājumu ar zināmo p53 gēna struktūru.

Iesniedzamie materiāli:

OMIM datu bāzes apraksts par p53 gēnu, atsaucies uz publikācijām, kurās aprakstītas šī gēna alternatīvās splaisinga formas, mRNS un atbilstošās aminoskābju sekvenču FASTA formātā, daudzkārtējais mRNS sekvenču salīdzinājums CLUSTAL formātā, salīdzinājums ar zināmo p53 gēna struktūru.